

上海交通大学生命学院微生物科学系/微生物国家重点实验室微生物信息学教研组

## 2022 年硕士研究生招生情况说明

拟招人数: 1 名

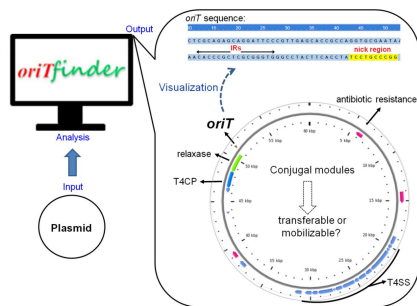
导师: 欧竑宇 长聘教授, 博士生、硕士生导师

E-mail: [hyou@sjtu.edu.cn](mailto:hyou@sjtu.edu.cn)

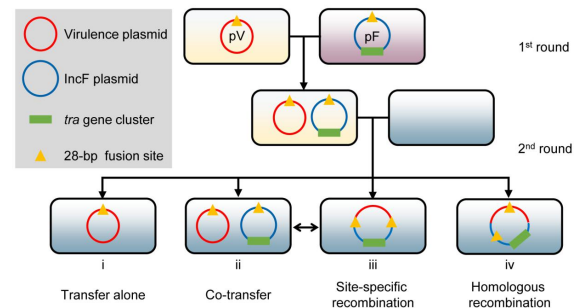
教研组网站: <http://bioinfo-mml.sjtu.edu.cn/>



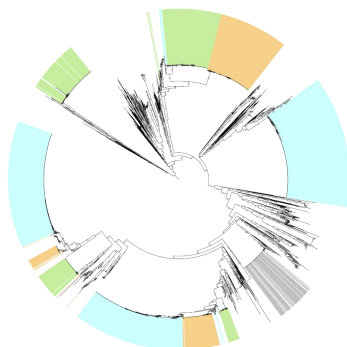
我们教研组由欧竑宇教授和多名在读博士和硕士研究生组成。以多重耐药肺炎克雷伯菌为研究对象, 采用功能组学、生物信息学和分子遗传学等多学科方法, 开展可移动遗传元件水平转移机制的研究。近期研究课题重点关注耐药质粒和毒力质粒、整合性接合元件 ICEKp1、毒素-抗毒素系统 GNAT-RHH 和 CpxAR 双组分调控系统等。已在 *Nucleic Acids Research* (11 篇)、*Genome Medicine*、*Briefings in Bioinformatics*、*Molecular Microbiology* 和 *Journal of Antimicrobial Chemotherapy* 等国际知名刊物发表论文七十多篇, 获国家自然科学基金和科技部重点研发等国家级课题的资助。我们教研组有良好的学术氛围和科研条件; 硕士生和博士生按时毕业的比率高, 就业情况良好。欢迎参加我们小组, 向未知挑战!



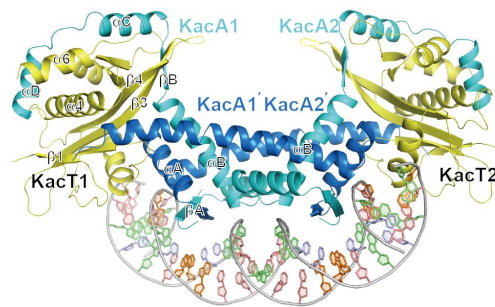
接合转移功能模块的识别软件 oriTfinder  
Li, et al., *Nucleic Acids Research*, 2018



肺炎克雷伯菌毒力质粒的被诱动转移  
Xu, et al., *Genome Medicine*, 2021



II 型毒素-抗毒素系统数据库和预测软件  
Xie, et al., *Nucleic Acids Research*, 2018



GNAT-RHH 毒素-抗毒素系统的条件协同转录  
Qian, et al., *Nucleic Acids Research*, 2019