上海交通大学生命学院微生物科学系/微生物国家重点实验室微生物信息学研究组

2024 年研究生招生情况说明

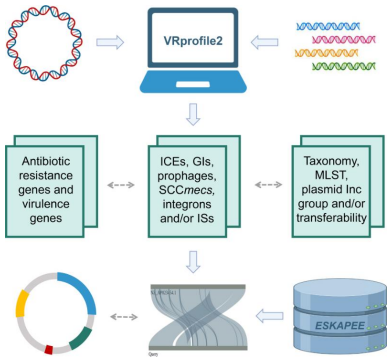
拟招人数：硕士 1 名（**学术型**）

导师：欧竑宇 长聘教授，博士生、硕士生导师

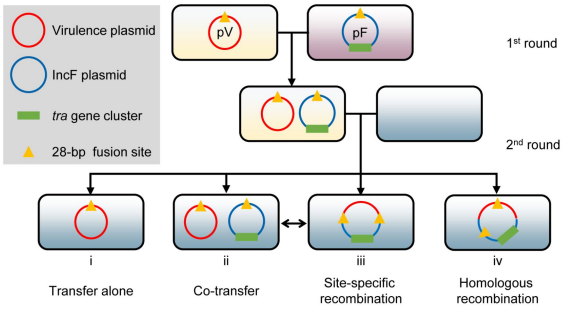
E-mail: hyou@sjtu.edu.cn

研究组网站: https://bioinfo-mml.sjtu.edu.cn/

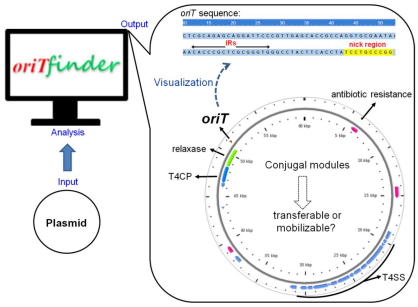
我们研究组由欧竑宇教授和多名在读博士和硕士研究生组成。以多重耐药肺炎克雷伯菌为研究对象，采用功能组学、生物信息学和分子遗传学等多学科方法，开展耐药移动元件复杂结构和转移机制的研究。近期研究课题重点关注耐药质粒和毒力质粒、整合性接合元件 ICE*Kp*1、毒素-抗毒素系统 GNAT-RHH 和 CpxAR 双组分调控系统等。已在 *Nucleic Acids Research* (12 篇)、*Genome Medicine*、*Briefings in Bioinformatics*、*Molecular Microbiology* 和 *Journal of Antimicrobial Chemotherapy* 等国际知名刊物发表论文八十多篇，获国家自然科学基金和科技部重点研发等国家级课题的资助。我们研究组有良好的学术氛围和科研条件；硕士生和博士生按时毕业的比率高，就业情况良好。欢迎参加我们小组，向未知挑战!



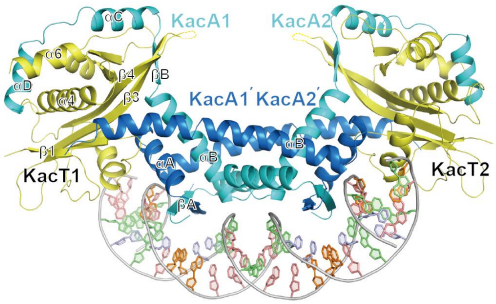
耐药菌各类移动元件的整合分析软件 VRprofile2
Wang, et al., *Nucleic Acids Research*, 2022



肺炎克雷伯菌毒力质粒的被诱动转移
Xu, et al., *Genome Medicine*, 2021



接合转移功能模块的识别软件 oriTfinder
Li, et al., *Nucleic Acids Research*, 2018



GNAT-RHH 毒素-抗毒素系统的条件协同转录
Qian, et al., *Nucleic Acids Research*, 2019