

logo

NTDB id 1028	TT RS08215 WP 011173991.1	MSVLTIGDKRLGAALLDAGLLTDEELQRALERHREVGGS	80
NTDB id 1306	DR RS10060 WP 027479822.1	LAELVLYDSGLERRIASLIESSGILPLVLAHVETSP	79
NTDB id 1410	SGL RS13950 WP 010873519.1	MSVLTIGDKRLGAALLDAGLLTDEELQRALERHREVGGS	0
NTDB id 1366	NTHI RS01950 WP 011271972.1	LAELVLYDSGLERRIASLIESSGILPLVLAHVETSP	0
NTDB id 1355	HI 0298 AAC21962.1	MSVLTIGDKRLGAALLDAGLLTDEELQRALERHREVGGS	0
NTDB id 1384	A4U84 RS08525 WP 010787006.1	LAELVLYDSGLERRIASLIESSGILPLVLAHVETSP	0
NTDB id 1468	ASU2 RS05090 WP 014991734.1	MSVLTIGDKRLGAALLDAGLLTDEELQRALERHREVGGS	0
NTDB id 93656	STho1984 RS00745 WP 000650615.1	LAELVLYDSGLERRIASLIESSGILPLVLAHVETSP	0
NTDB id 1436	BW25113 RS00530 WP 001025145.1	MSVLTIGDKRLGAALLDAGLLTDEELQRALERHREVGGS	0
NTDB id 1168	A1552VC RS11070 WP 000957200.1	LAELVLYDSGLERRIASLIESSGILPLVLAHVETSP	0
NTDB id 1293	VP RS12240 WP 005479695.1	MSVLTIGDKRLGAALLDAGLLTDEELQRALERHREVGGS	0
NTDB id 1401	DSB67 RS12665 WP 010643259.1	LAELVLYDSGLERRIASLIESSGILPLVLAHVETSP	0
NTDB id 1251	GC085 RS07725 WP 011946523.1	MSVLTIGDKRLGAALLDAGLLTDEELQRALERHREVGGS	0
NTDB id 1018	ACIAD RS01685 WP 004920473.1	LAELVLYDSGLERRIASLIESSGILPLVLAHVETSP	0
NTDB id 1058	ABD1 RS01615 WP 001274986.1	MSVLTIGDKRLGAALLDAGLLTDEELQRALERHREVGGS	0
consensus			

logo

NTDB id 1028	TT RS08215 WP 011173991.1	ALLPAEKAKELKAIPFALDEEAGVVRVAFLNPLDTLSLEEVEDLTGLVVEPYQTTKSAFLYALAKHYPELGLPVPPP..P	158
NTDB id 1306	DR RS10060 WP 027479822.1	RSIRPQTALNLQAFPPFALE..GDRLRVALVDPLSSFSIETLEDDSGFDIEPYQALREEVMWAIATHYPELGLEIVVPSGA	157
NTDB id 1410	SGL RS13950 WP 010873519.1	ALLPAEKAKELKAIPFALDEEAGVVRVAFLNPLDTLSLEEVEDLTGLVVEPYQTTKSAFLYALAKHYPELGLPVPPP..P	0
NTDB id 1366	NTHI RS01950 WP 011271972.1	RSIRPQTALNLQAFPPFALE..GDRLRVALVDPLSSFSIETLEDDSGFDIEPYQALREEVMWAIATHYPELGLEIVVPSGA	0
NTDB id 1355	HI 0298 AAC21962.1	ALLPAEKAKELKAIPFALDEEAGVVRVAFLNPLDTLSLEEVEDLTGLVVEPYQTTKSAFLYALAKHYPELGLPVPPP..P	0
NTDB id 1384	A4U84 RS08525 WP 010787006.1	RSIRPQTALNLQAFPPFALE..GDRLRVALVDPLSSFSIETLEDDSGFDIEPYQALREEVMWAIATHYPELGLEIVVPSGA	0
NTDB id 1468	ASU2 RS05090 WP 014991734.1	ALLPAEKAKELKAIPFALDEEAGVVRVAFLNPLDTLSLEEVEDLTGLVVEPYQTTKSAFLYALAKHYPELGLPVPPP..P	0
NTDB id 93656	STho1984 RS00745 WP 000650615.1	RSIRPQTALNLQAFPPFALE..GDRLRVALVDPLSSFSIETLEDDSGFDIEPYQALREEVMWAIATHYPELGLEIVVPSGA	0
NTDB id 1436	BW25113 RS00530 WP 001025145.1	ALLPAEKAKELKAIPFALDEEAGVVRVAFLNPLDTLSLEEVEDLTGLVVEPYQTTKSAFLYALAKHYPELGLPVPPP..P	0
NTDB id 1168	A1552VC RS11070 WP 000957200.1	RSIRPQTALNLQAFPPFALE..GDRLRVALVDPLSSFSIETLEDDSGFDIEPYQALREEVMWAIATHYPELGLEIVVPSGA	0
NTDB id 1293	VP RS12240 WP 005479695.1	ALLPAEKAKELKAIPFALDEEAGVVRVAFLNPLDTLSLEEVEDLTGLVVEPYQTTKSAFLYALAKHYPELGLPVPPP..P	0
NTDB id 1401	DSB67 RS12665 WP 010643259.1	RSIRPQTALNLQAFPPFALE..GDRLRVALVDPLSSFSIETLEDDSGFDIEPYQALREEVMWAIATHYPELGLEIVVPSGA	0
NTDB id 1251	GC085 RS07725 WP 011946523.1	ALLPAEKAKELKAIPFALDEEAGVVRVAFLNPLDTLSLEEVEDLTGLVVEPYQTTKSAFLYALAKHYPELGLPVPPP..P	0
NTDB id 1018	ACIAD RS01685 WP 004920473.1	RSIRPQTALNLQAFPPFALE..GDRLRVALVDPLSSFSIETLEDDSGFDIEPYQALREEVMWAIATHYPELGLEIVVPSGA	0
NTDB id 1058	ABD1 RS01615 WP 001274986.1	ALLPAEKAKELKAIPFALDEEAGVVRVAFLNPLDTLSLEEVEDLTGLVVEPYQTTKSAFLYALAKHYPELGLPVPPP..P	0
consensus			

logo

		S S RG S KLGE L Y S GY I IS R L E Y A L S Q R T G S L G S T L Y S SR S Y E S R L Y E X L A E Q S G E F L E S E G A Y P S E E X	
NTDB id 1028	TT RS08215 WP 011173991.1	SGEGQKDKLKLGELLQLKGWISREALEEALVEQEKTGDLLGRILV.RKGLPEEALYRALAEQKGLEFLESTEGIVPDPSAA	237
NTDB id 1306	DR RS10060 WP 027479822.1	SDAGRTGGKLGERLITHGYITDAQLQVALDAQQTGEALGATLISQRAITEDQLYEVLAEQEGTTFLPNPSGFHPGEEVL	237
NTDB id 1410	SGL RS13950 WP 010873519.1		0
NTDB id 1366	NTHI RS01950 WP 011271972.1		0
NTDB id 1355	HI 0298 AAC21962.1		0
NTDB id 1384	A4U84 RS08525 WP 010787006.1		0
NTDB id 1468	ASU2 RS05090 WP 014991734.1		0
NTDB id 93656	STho1984 RS00745 WP 000650615.1		0
NTDB id 1436	BW25113 RS00530 WP 001025145.1		0
NTDB id 1168	A1552VC RS11070 WP 000957200.1		0
NTDB id 1293	VP RS12240 WP 005479695.1		0
NTDB id 1401	DSB67 RS12665 WP 010643259.1		0
NTDB id 1251	GC085 RS07725 WP 011946523.1		0
NTDB id 1018	ACIAD RS01685 WP 004920473.1		0
NTDB id 1058	ABD1 RS01615 WP 001274986.1		0
consensus			

logo

		L E ML R DAL R Y A VP Y S E S E V E Y S DP R K E Y R L Y RP X S M L E P S Y E L S Y P Q R L G E X L V Q E G S R	
NTDB id 1028	TT RS08215 WP 011173991.1	LLLLRSDALRYGAVPIGFQNGEVEVLSDPRHKEAVAQLLNRPARFYALALPQAWHEELFRRAYPQKNRLGEVLVQEGKLSR	317
NTDB id 1306	DR RS10060 WP 027479822.1	GSMRLRADALRLLAVPVDETEQQGVTVLTSDPRKRPDIDALIGRPVQLMLTRPRDIERLIEQFYPPQRGRLGEQLVQEGTLSR	317
NTDB id 1410	SGL RS13950 WP 010873519.1	MTS	3
NTDB id 1366	NTHI RS01950 WP 011271972.1		0
NTDB id 1355	HI 0298 AAC21962.1		0
NTDB id 1384	A4U84 RS08525 WP 010787006.1		0
NTDB id 1468	ASU2 RS05090 WP 014991734.1		0
NTDB id 93656	STho1984 RS00745 WP 000650615.1		0
NTDB id 1436	BW25113 RS00530 WP 001025145.1		0
NTDB id 1168	A1552VC RS11070 WP 000957200.1		0
NTDB id 1293	VP RS12240 WP 005479695.1		0
NTDB id 1401	DSB67 RS12665 WP 010643259.1		0
NTDB id 1251	GC085 RS07725 WP 011946523.1		0
NTDB id 1018	ACIAD RS01685 WP 004920473.1		0
NTDB id 1058	ABD1 RS01615 WP 001274986.1		0
consensus			

logo

NTDB id 1028 TT RS08215 WP 011173991.1
NTDB id 1306 DR RS10060 WP 027479822.1
NTDB id 1410 SGL RS13950 WP 010873519.1
NTDB id 1366 NTHI RS01950 WP 011271972.1
NTDB id 1355 HI 0298 AAC21962.1
NTDB id 1384 A4U84 RS08525 WP 010787006.1
NTDB id 1468 ASU2 RS05090 WP 014991734.1
NTDB id 93656 STho1984 RS00745 WP 000650615.1
NTDB id 1436 BW25113 RS00530 WP 001025145.1
NTDB id 1168 A1552VC RS11070 WP 000957200.1
NTDB id 1293 VP RS12240 WP 005479695.1
NTDB id 1401 DSB67 RS12665 WP 010643259.1
NTDB id 1251 GC085 RS07725 WP 011946523.1
NTDB id 1018 ACIAD RS01685 WP 004920473.1
NTDB id 1058 ABD1 RS01615 WP 001274986.1
consensus

EALKEALEVQKGLPRAKPLGEIIVELGLARPEDVEEALQKQRRGGGRLEDTLVQS..GKLRPEAIAQA.....VATQL 388
DQLREALQVQAREGKVKPLGEVITELGFASPDEVDSALQKQNVGGGRLEDTLVQS..GKLSPEMLARS.....LAAQL 388
SSSSKKSRAVALRNYFSPFGNKIVAGGHVDAEQLRQALVQVKKTGRSLPEELKAVTGRELSPELLRQYKKNQLFELKVLV 83
.....MTSYA.....LLHTQRVTAQ.....NGEIF 20
.....MTSYA.....LLHTQRVTAQ.....NGEVF 20
.....MSQYT.....ICEQQ.....TERIF 15
.....MQYS.....VCDMN.....SQQVF 14
..... 0
..... 0
.....MLTNLVAIIRQAELISATQEQA VVTQVSASGTSVPEALLLEL..SIFHAQELTEQ.....LSHIF 57
.....MHSNLSTIIRQKGLLTFSQEESLIEQVKASGISMPEALLSS..GFFTSSSELAEH.....LSSIF 57
.....MLTNLSTVIRQAGILTFSQEESSLLEQVKASGISMPEALLSS..GFFQSHELTEH.....LSSVF 57
.....MALATEEYRLQGIGQLLVLEKLLDKTKAIELHKLAAAEKISLLQYIVKN..KILSAEQIALT.....AAQNF 65
.....MSAFTTPPKFSGFIRRLVEEGYVNAQNMQALEKAKKFKQDIVPYLIDN..FSISPLTIAEI.....ISLEF 65
.....MSALHTSPKFTGFFRRLVEEKHVSAATMQTALDAAKRAKQDTVAYLIEE..VHLSPSLAET.....ISAEF 65
* * *

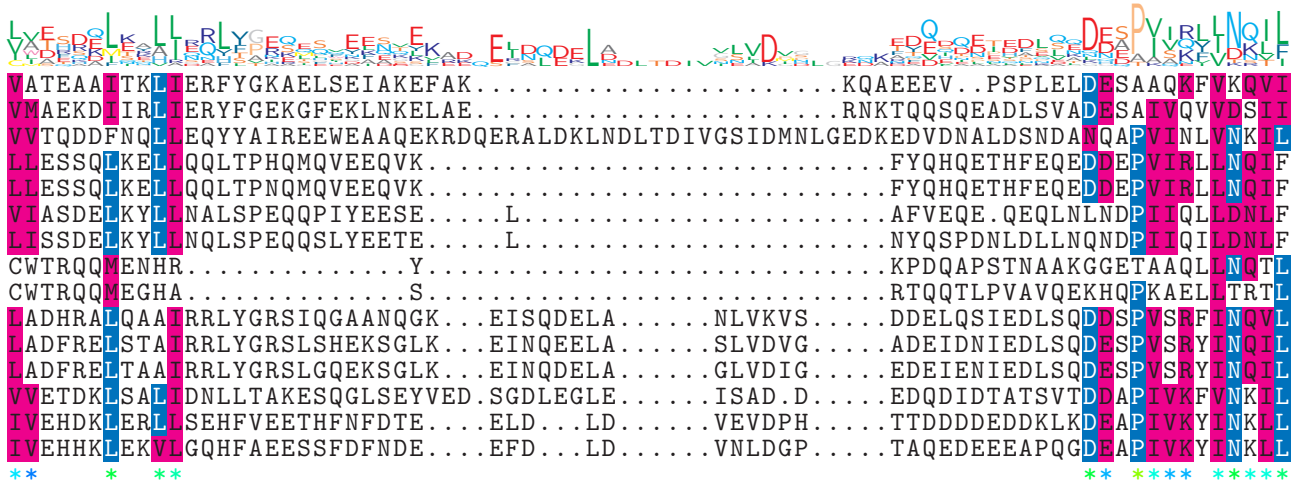
logo

NTDB id 1028 TT RS08215 WP 011173991.1
NTDB id 1306 DR RS10060 WP 027479822.1
NTDB id 1410 SGL RS13950 WP 010873519.1
NTDB id 1366 NTHI RS01950 WP 011271972.1
NTDB id 1355 HI 0298 AAC21962.1
NTDB id 1384 A4U84 RS08525 WP 010787006.1
NTDB id 1468 ASU2 RS05090 WP 014991734.1
NTDB id 93656 STho1984 RS00745 WP 000650615.1
NTDB id 1436 BW25113 RS00530 WP 001025145.1
NTDB id 1168 A1552VC RS11070 WP 000957200.1
NTDB id 1293 VP RS12240 WP 005479695.1
NTDB id 1401 DSB67 RS12665 WP 010643259.1
NTDB id 1251 GC085 RS07725 WP 011946523.1
NTDB id 1018 ACIAD RS01685 WP 004920473.1
NTDB id 1058 ABD1 RS01615 WP 001274986.1
consensus

GYPYVDPEED....PPDPGAPLLLPEDLCRRYGVFPHRLEG...NRLVLLMKDPRNITLALDDVRLALKRKGLNVEVAPA 460
GYEFLDPIQN....PPDPKVALMPEATARRVVPVRLQG...NSLVVAMKDPRNVFALDDKLITG....KEILPA 455
GVDSVDPEVAPIATQQMAELIGRFFPLDTCRRFKFLPLAQEGDPSPSVLVAMVDPDNLAAQDELNRILRVKG..FELRRI 161
.....TI.....SPDLWERNQQQQSLLRYPFALPLKEEN...NRLWLGVDSLSNLSACETIAFI...TG..KPVEPI 79
.....TI.....SPDLWERNQQQQSLLRYPFALPLKEEN...NRLWLGVDSLSNLSACETIAFI...TG..KPVEPI 79
.....DI.....SPSRWQKNCEEKQLLLRYPFALPLKEEN...HKLWLAVDDENNLTACEIFAFM...TH..KQIEPV 74
.....DI.....SESLWQKNCKDEKHLRLRYPFALPIQEND...DTLWLAIIDMNLSACEIFAFI...AH..KTIEPV 73
.....MKDAQNLNTLCQRHQAVLINSAS...NSITVAVVDAPSHALLDALHFA...TQ..KQIDIV 52
.....MNIPQLTALCLRYHGVLLDASE...EVVHVAVVDAPSHELLDALHFA...TT..KRIEIT 52
GLPETDLSRY....DYANLCQQLGLRELITRYDALPIAKQG...NLLLVAVSDPTLLQAEFEFRFA...TG..LQVELA 124
GLSQPELSQY....EYASLCQQLGLRELITRHNALPLHRT...STLLLAVADPTNQQAEDDFRFA...TG..LQVELV 124
GLSCTSLNQY....EYASLCQTLGLRDLITRHNALPLNRTS...STLILAVADPTNLLQAEDDFRFA...TG..LQVELV 124
GVPMLDINCI....DVGITIPVNLVNEKLIKRRHAMVPLFSRG...TNLYLATDPSKQASLKEIQFH...TG..LNTHAI 132
GEPLLDLGVF....DPALFLDKDIDEKLIQKYRIMPLVHRG...HVLVYVATSNPTNIEAMDAIRFN...SK..LKVEPI 132
AEPYFDLDVY....DTSQIPKDLVDQKLILKHRILPLIQRG...QILYVATSNPSNIEAIDAIRFN...SK..LLVEPV 132
* ** * *

logo

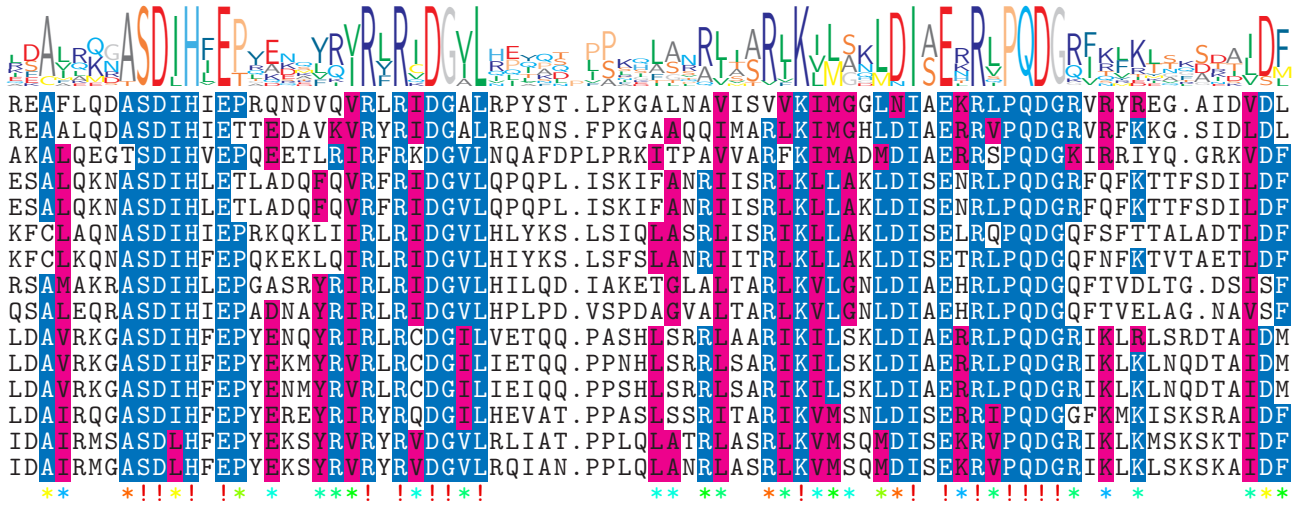
NTDB	id	1028	TT	RS08215	WP	011173991.1
NTDB	id	1306	DR	RS10060	WP	027479822.1
NTDB	id	1410	SGL	RS13950	WP	010873519.1
NTDB	id	1366	NTHI	RS01950	WP	011271972.1
NTDB	id	1355	HI	O298	AAC21962.1	
NTDB	id	1384	A4U84	RS08525	WP	010787006.1
NTDB	id	1468	ASU2	RS05090	WP	014991734.1
NTDB	id	93656	STho1984	RS00745	WP	000650615.1
NTDB	id	1436	BW25113	RS00530	WP	001025145.1
NTDB	id	1168	A1552VC	RS11070	WP	000957200.1
NTDB	id	1293	VP	RS12240	WP	005479695.1
NTDB	id	1401	DSB67	RS12665	WP	010643259.1
NTDB	id	1251	GC085	RS07725	WP	011946523.1
NTDB	id	1018	ACIAD	RS01685	WP	004920473.1
NTDB	id	1058	ABD1	RS01615	WP	001274986.1
consensus						



515
512
241
130
130
125
125
89
89
190
190
190
199
194
194

logo

NTDB	id	1028	TT	RS08215	WP	011173991.1
NTDB	id	1306	DR	RS10060	WP	027479822.1
NTDB	id	1410	SGL	RS13950	WP	010873519.1
NTDB	id	1366	NTHI	RS01950	WP	011271972.1
NTDB	id	1355	HI	O298	AAC21962.1	
NTDB	id	1384	A4U84	RS08525	WP	010787006.1
NTDB	id	1468	ASU2	RS05090	WP	014991734.1
NTDB	id	93656	STho1984	RS00745	WP	000650615.1
NTDB	id	1436	BW25113	RS00530	WP	001025145.1
NTDB	id	1168	A1552VC	RS11070	WP	000957200.1
NTDB	id	1293	VP	RS12240	WP	005479695.1
NTDB	id	1401	DSB67	RS12665	WP	010643259.1
NTDB	id	1251	GC085	RS07725	WP	011946523.1
NTDB	id	1018	ACIAD	RS01685	WP	004920473.1
NTDB	id	1058	ABD1	RS01615	WP	001274986.1
consensus						

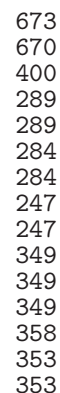


593
590
320
209
209
204
204
167
167
269
269
269
278
273
273

```

NTDB id 1028 TT RS08215 WP 011173991.1
NTDB id 1306 DR RS10060 WP 027479822.1
NTDB id 1410 SGL RS13950 WP 010873519.1
NTDB id 1366 NTHI RS01950 WP 011271972.1
NTDB id 1355 HI 0298 AAC21962.1
NTDB id 1384 A4U84 RS08525 WP 010787006.1
NTDB id 1468 ASU2 RS05090 WP 014991734.1
NTDB id 93656 STho1984 RS00745 WP 000650615.1
NTDB id 1436 BW25113 RS00530 WP 001025145.1
NTDB id 1168 A1552VC RS11070 WP 000957200.1
NTDB id 1293 VP RS12240 WP 005479695.1
NTDB id 1401 DSB67 RS12665 WP 010643259.1
NTDB id 1251 GC085 RS07725 WP 011946523.1
NTDB id 1018 ACIAD RS01685 WP 004920473.1
NTDB id 1058 ABD1 RS01615 WP 001274986.1
consensus

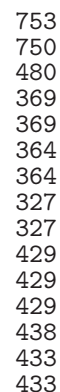
```



```

NTDB id 1028 TT RS08215 WP 011173991.1
NTDB id 1306 DR RS10060 WP 027479822.1
NTDB id 1410 SGL RS13950 WP 010873519.1
NTDB id 1366 NTHI RS01950 WP 011271972.1
NTDB id 1355 HI 0298 AAC21962.1
NTDB id 1384 A4U84 RS08525 WP 010787006.1
NTDB id 1468 ASU2 RS05090 WP 014991734.1
NTDB id 93656 STho1984 RS00745 WP 000650615.1
NTDB id 1436 BW25113 RS00530 WP 001025145.1
NTDB id 1168 A1552VC RS11070 WP 000957200.1
NTDB id 1293 VP RS12240 WP 005479695.1
NTDB id 1401 DSB67 RS12665 WP 010643259.1
NTDB id 1251 GC085 RS07725 WP 011946523.1
NTDB id 1018 ACIAD RS01685 WP 004920473.1
NTDB id 1058 ABD1 RS01615 WP 001274986.1
consensus

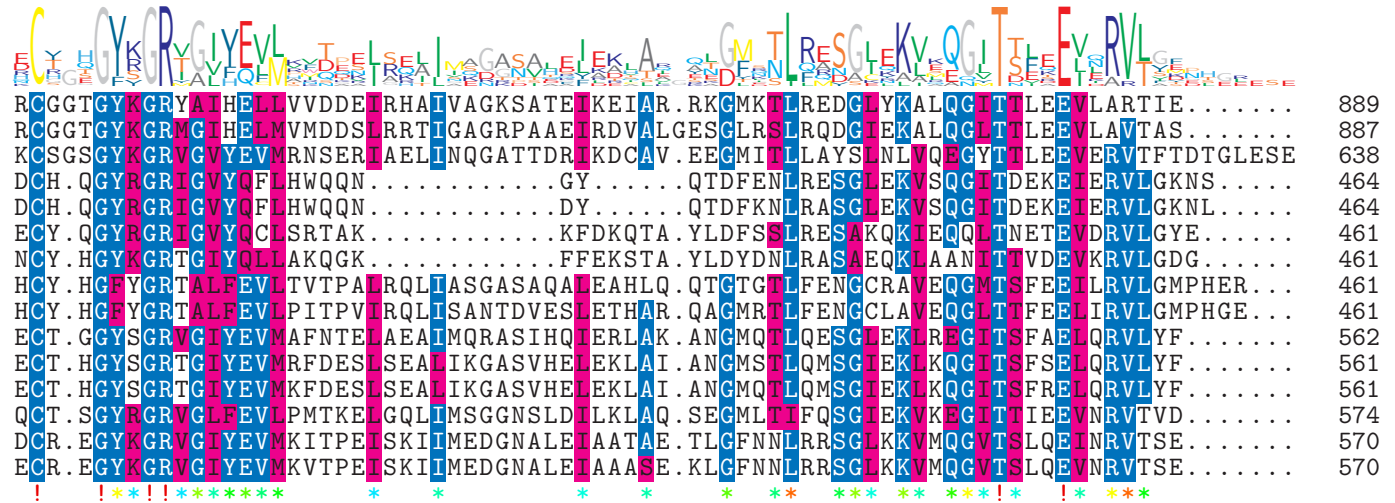
```



```

NTDB id 1028 TT RS08215 WP 011173991.1
NTDB id 1306 DR RS10060 WP 027479822.1
NTDB id 1410 SGL RS13950 WP 010873519.1
NTDB id 1366 NTHI RS01950 WP 011271972.1
NTDB id 1355 HI 0298 AAC21962.1
NTDB id 1384 A4U84 RS08525 WP 010787006.1
NTDB id 1468 ASU2 RS05090 WP 014991734.1
NTDB id 93656 STho1984 RS00745 WP 000650615.1
NTDB id 1436 BW25113 RS00530 WP 001025145.1
NTDB id 1168 A1552VC RS11070 WP 000957200.1
NTDB id 1293 VP RS12240 WP 005479695.1
NTDB id 1401 DSB67 RS12665 WP 010643259.1
NTDB id 1251 GC085 RS07725 WP 011946523.1
NTDB id 1018 ACIAD RS01685 WP 004920473.1
NTDB id 1058 ABD1 RS01615 WP 001274986.1
consensus

```



logo

--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

-  non conserved
-  similar
-  ≥ 50% conserved