

logo

NTDB id 360464 FAY30 RS16615 WP 149870914.1  
NTDB id 352 BSU 24240 NP 390304.2  
consensus

MLAELSIKNFAIIEELTSYSEFRGLTVLTGETGAGKSIIDAIHLLVGGGRGSAEFVR<sup>Y</sup>HGEKAETEGFLQLDAPDHPYMLGV  
 MLAELSIKNFAIIEALSI<sup>\*</sup>SFEK<sup>\*</sup>GLTVLTGETGAGKSIIDAIHLLVGGGRGSAEFVRHGEKAETEGFLQLDAPDHPIMLK  
 MLAELSIKNFAIIEELTV<sup>\*</sup>SFER<sup>\*</sup>GLTVLTGETGAGKSIIDAI<sup>\*</sup>SLLVGGGRGSS<sup>\*</sup>EFVR<sup>\*</sup>YGE<sup>\*</sup>AKAE<sup>\*</sup>LEGL<sup>\*</sup>FL<sup>\*</sup>LES<sup>\*</sup>.GHPY<sup>\*</sup>ML<sup>\*</sup>GV<sup>\*</sup>

80  
79

logo

NTDB id 360464 FAY30 RS16615 WP 149870914.1  
NTDB id 352 BSU 24240 NP 390304.2  
consensus

160  
159

logo

NTDB id 360464 FAY30 RS16615 WP 149870914.1  
NTDB id 352 BSU 24240 NP 390304.2  
consensus

RTVQQVYRQVYKTLLKLLKQLSESEQQTAAHRLDLIQFLDEIQSANKLPNEDDELAEERQQLSNFERYYESTQSGYNTALRS  
RELEGQIEHLHLKLLKQLSENDEQTAHRLDLIQFLDEIQSANKLPNEDDELAEERQQLSNFERYYESTQSGYNTALRHG  
REYLLQVYRQRYEHTLHLKLLKQLSENDEQTAHRLDLIQFLDEIQSANKLPNEDDELAEERQQLSNFERVVFESIQSGYTALHGHG  
KTYQEGYQRYVYKLLKLLKQLSESEQMAHRLDLIQFLDEIETSAKLELNEDDELQLEERQQISNFEEKIYESLQNAYNALRS

240  
239

logo

NTDB id 360464 FAY30 RS16615 WP 149870914.1  
NTDB id 352 BSU 24240 NP 390304.2  
consensus

EQKGLDWYVSGSLEDASSLNPPYKMSFSVSNSYVQLEDAARTMRLNLDVLEDPGRNLNIEDRLNEINQLKRKYGKT  
 EQKGLDWYVSGSLEDASSLNPPYKMSFSVSNSYVQLEDAARTMRLNLDVLEDPGRNLNIEDRLNEINQLKRKYGKT  
 EQKGLDWYVSGSLEDASSLNPPYKMSFSVSNSYVQLEDAARTMRLNLDVLEDPGRNLNIEDRLNEINQLKRKYGKT  
 EQKGLDWYVSGSLEDASSLNPPYKMSFSVSNSYVQLEDAARTMRLNLDVLEDPGRNLNIEDRLNEINQLKRKYGKT

320  
319

logo

NTDB id 360464 FAY30 RS16615 WP 149870914.1  
NTDB id 352 BSU 24240 NP 390304.2  
consensus

400  
399

logo

NTDB id 360464 FAY30 RS16615 WP 149870914.1  
NTDB id 352 BSU 24240 NP 390304.2  
consensus

VTT  
 SRLASRN<sup>EE</sup>APLVNGQP<sup>V</sup>LT<sup>KQ</sup>SGY<sup>D</sup>LV<sup>K</sup>F<sup>Y</sup>ISTN<sup>T</sup>GEPLK<sup>S</sup>LSKVASGGELSR<sup>Y</sup>MLA<sup>T</sup>KS<sup>I</sup>FS<sup>SQ</sup>Q<sup>K</sup>VD<sup>D</sup>VTS<sup>I</sup>IFDEVD<sup>T</sup>GT  
 STL.....QHF<sup>S</sup>KN<sup>C</sup>V<sup>D</sup>H<sup>V</sup>GF<sup>Y</sup>ISTN<sup>T</sup>GEPLK<sup>S</sup>LSKVASGGELSR<sup>I</sup>MLA<sup>T</sup>KS<sup>I</sup>FS<sup>S</sup>KH<sup>Q</sup>Q<sup>K</sup>VTS<sup>I</sup>IFDEVD<sup>T</sup>GT  
 VRT<sup>A</sup>SRN<sup>EE</sup>APLVNGQP<sup>V</sup>LT<sup>K</sup>TE<sup>G</sup>IG<sup>D</sup>LV<sup>K</sup>FL<sup>I</sup>STN<sup>T</sup>GEPLK<sup>S</sup>LSKVASGGELSR<sup>Y</sup>MLA<sup>T</sup>KS<sup>I</sup>FS<sup>S</sup>Q<sup>K</sup>Q<sup>D</sup>VTS<sup>I</sup>IFDEVD<sup>T</sup>GT  
 \*\*\*\*\*  
 \*\*\*\*\*

466  
479

logo

NTDB id 360464 FAY30 RS16615 WP 149870914.1  
NTDB id 352 BSU 24240 NP 390304.2  
consensus

546  
559

logo

NTDB id 360464 FAY30 RS16615 WP 149870914.1

NTDB id 352 BSU 24240 NP 390304.2

consensus

RHAKELLQQAVQVKVTNG

KHAEELLQLAVKTKVN.

RHAKELLKQADQVKTTG

\*!! !!! ! ! \*

562

576

- X

non conserved
- X

similar
- X

 $\geq 50\%$  conserved